

Moderne Methoden der Datenanalyse

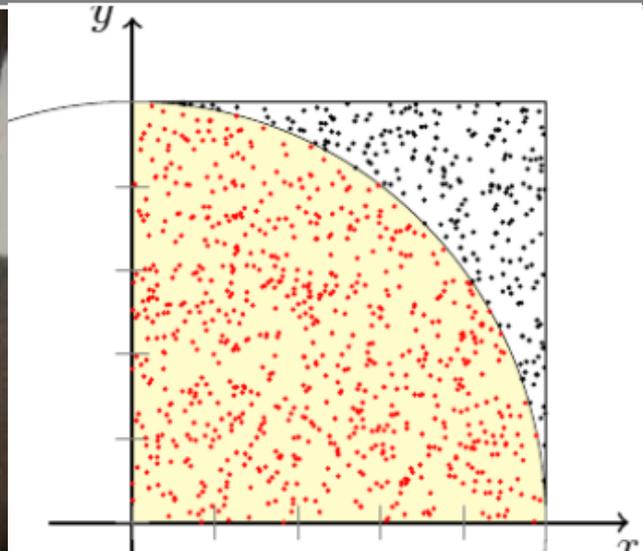
Zusammenfassung

Zufallszahlen und Monte Carlo Methoden

Andreas B.Meyer  

9. Mai 2017

Fakultät für Physik
Institut für Experimentelle Kernphysik - IEKP



Die Monte Carlo Methode

- Auf (Pseudo-)Zufallszahlen basierende numerische Methode
 - Bestimmung der Eigenschaften von Verteilungen von Zufallszahlen (PDF), z.B. für Messgrößen in Experimenten
 - Lösung viel-dimensionaler Integrale (Transport-, Differential und Integral-Gleichungen)
 - Beispiele bisher: Würfel, Fehlerfortpflanzung, Wettervorhersage, Ziegenproblem

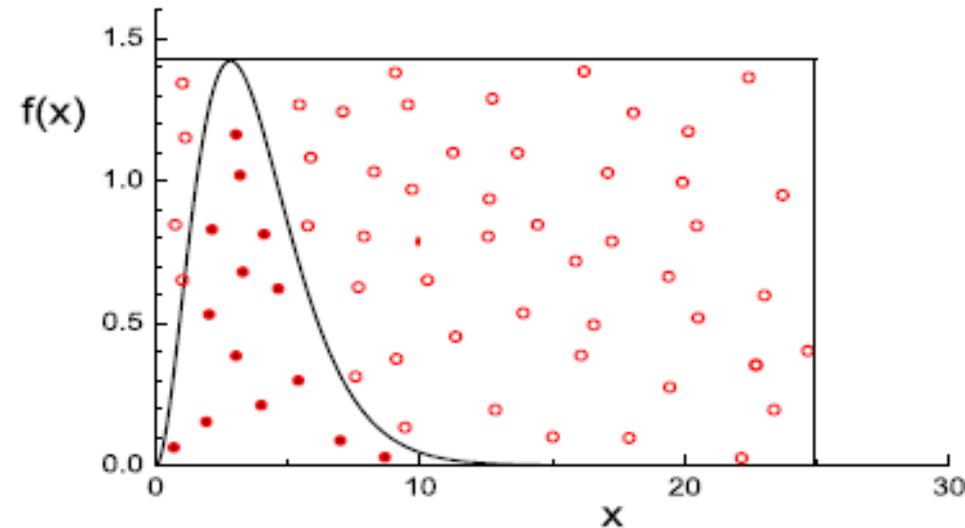
- Vorteile der Methode:
 - Einfache Formulierung der Problemstellungen
 - Unabhängige Kontrolle analytischer Lösungen
 - Kontinuierliche Verbesserung der Genauigkeit (mit mehr CPU)

- Aus der Teilchenphysik ist MC nicht wegzudenken:
 - Simulation von Physik-Ereignissen und Detektoreigenschaften
 - Entwerfen und Planen von Experimenten
 - Test von Analyse-Methoden (statistische Tests / “Pseudo-Experimente”)
 - Matrix-Elemente und Phasenraum-Integrale

■ Erzeuge Folge von Zufallszahlen r_1, r_2, \dots, r_m gleichverteilt in $]0,1]$

■ Transformiere r_i in $x_i = x_1, \dots, x_m$, so dass x_i der gewünschten Verteilungsdichte $f(x)$ folgen.

■ Aus den x_i werden dann Eigenschaften von $f(x)$ bestimmt, z.B. das Integral $\int_a^b f(x)dx = \text{Anteil der } x_i \text{ mit } a < x_i < b$



$$I = \int_a^b \phi(x) dx \simeq (b - a) \frac{1}{N} \sum_{i=1}^N \phi(x_i)$$

■ Varianz von I_{MC} :

$$V(I_{MC}) = \sigma_{I_{MC}}^2 = V \left[\frac{b-a}{N} \sum_{i=1}^N \phi(x_i) \right] = \left(\frac{b-a}{N} \right)^2 V \left[\sum_{i=1}^N \phi(x_i) \right]$$

(Zentraler Grenzwertsatz)

$$= \frac{(b-a)^2}{N} V[\phi(x_i)]$$

■ $V[I_{MC}]$ ist proportional zu $V[\phi]$ und $1/N$

■ D.h Genauigkeit σ verbessert sich mit $1/\sqrt{N}$

■ Gilt auch für mehrdimensionale Integrale

$$\sigma \propto 1/\sqrt{N}$$

Erzeugung von Pseudo-Zufallszahlen

- Computer liefern deterministische Zahlenfolgen “Pseudo”-Zufallszahlen:
 - Möglichst gute Verteilung (unkorrelierte Folgen)
 - Lange Periode
 - Schnelle Erzeugung
 - Reproduzierbarkeit (für vorgegebenen Startwert)

- Einfachster Algorithmus:

$$x_n = (a x_{n-1}) \bmod 2^k \quad (\text{wählt die letzten } k \text{ bits aus, d.h. bit-weises UND mit } 2^k-1)$$

- Allgemeiner und besser: (“linear kongruenter Generator, LCG”)

$$x_n = (a x_{n-1} + c) \bmod m$$

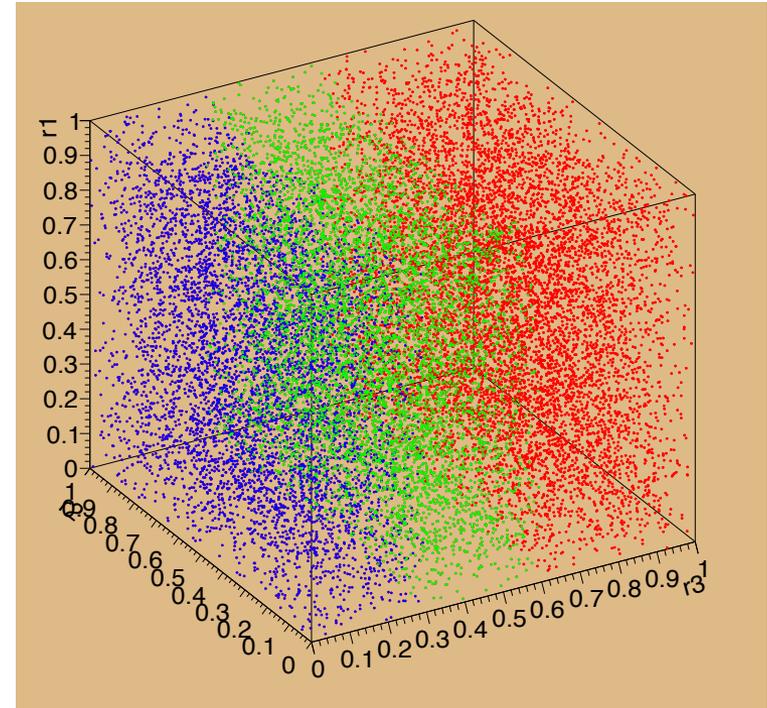
Dann ist $u_n = x_n/m$ gleichverteilt im Intervall $[0,1[$

- Periode ist höchstens m . Die Parameter a und c müssen geeignet gewählt werden.

Mersenne-Twister Algorithmus

Matsumoto, Nishimura (1998)

- basiert auf Mersenne-Primzahlen (2^n-1)
- Zustand wird beschrieben durch 624 Integer Zahlen (32 bit), die als Startwerte mit einem einfachen Generator initialisiert werden können.
- Extrem lange Periode ($2^{19937}-1 \approx 10^{6000}$)
- Gute Gleichverteilung bis zu 623 Dimensionen (bewiesen)
- Hinreichend schnell



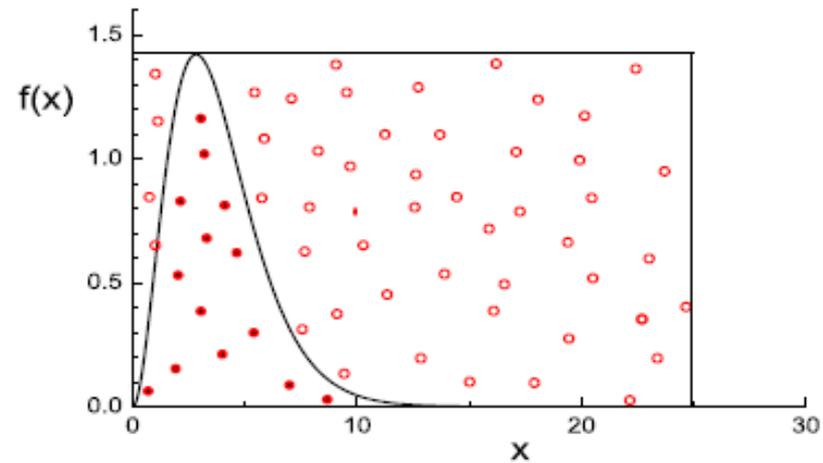
Root-Klasse TRandom3
Standard-Generator in Python

Beispiel: [mertwist.C](#)

Beliebig verteilte Zufallszahlen

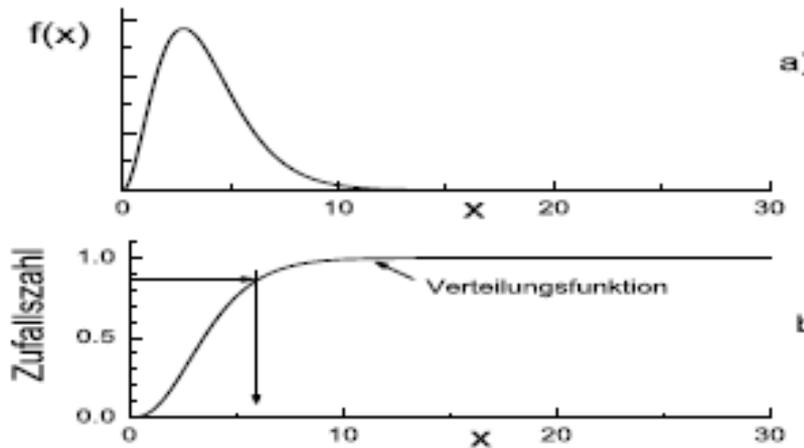
- Von Neumann'sches Rückweisungsverfahren ("Wegwerfmethode")

Generiere zwei Zufallszahlen r_1, r_2 , akzeptiere $x=r_1$, wenn $r_2 < f(x)$, x ist dann gemäß $f(x)$ verteilt



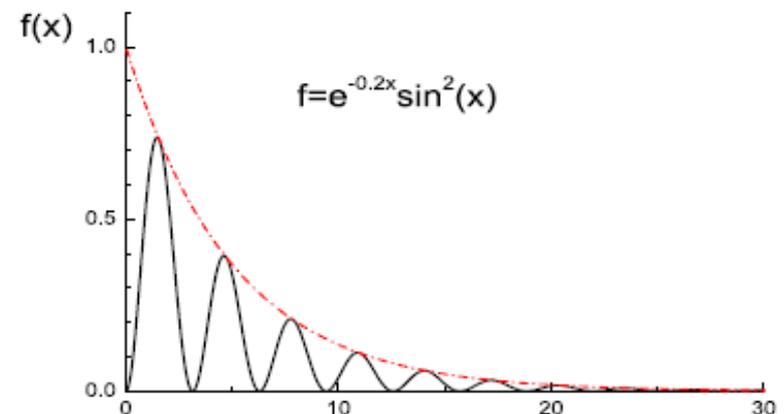
- Transformationsmethode

Transformiere gleichverteilte $r_i \in [0,1[$, so dass für eine geeignete Funktion $t(r)$, $x_i=t(r)$ der Verteilung $f(x)$ folgt. $t(r)$ ist die Inverse der Verteilungsfunktion $F(x)$



- Majoranten-Verfahren (Importance Sampling)

Kombination von 1) und 2): finde Einhüllende $m(x) \geq f(x)$, die mit 2) erzeugt werden kann. Erzeuge Zufallszahl x , und wende dann 1) an, d.h. erzeuge zweite Zufallszahl $r_2 \in [0,1]$ und akzeptiere x , wenn $r_2 \cdot m(x) < f(x)$



Korrelierte Gauß-verteilte Zufallszahlen

$$V = \begin{pmatrix} \sigma_1^2 & \rho \sigma_1 \sigma_2 \\ \rho \sigma_1 \sigma_2 & \sigma_2^2 \end{pmatrix}$$

$$D^{-1} = \begin{pmatrix} \sigma_1 & 0 \\ \rho \sigma_2 & \sigma_2 \sqrt{1 - \rho^2} \end{pmatrix}$$

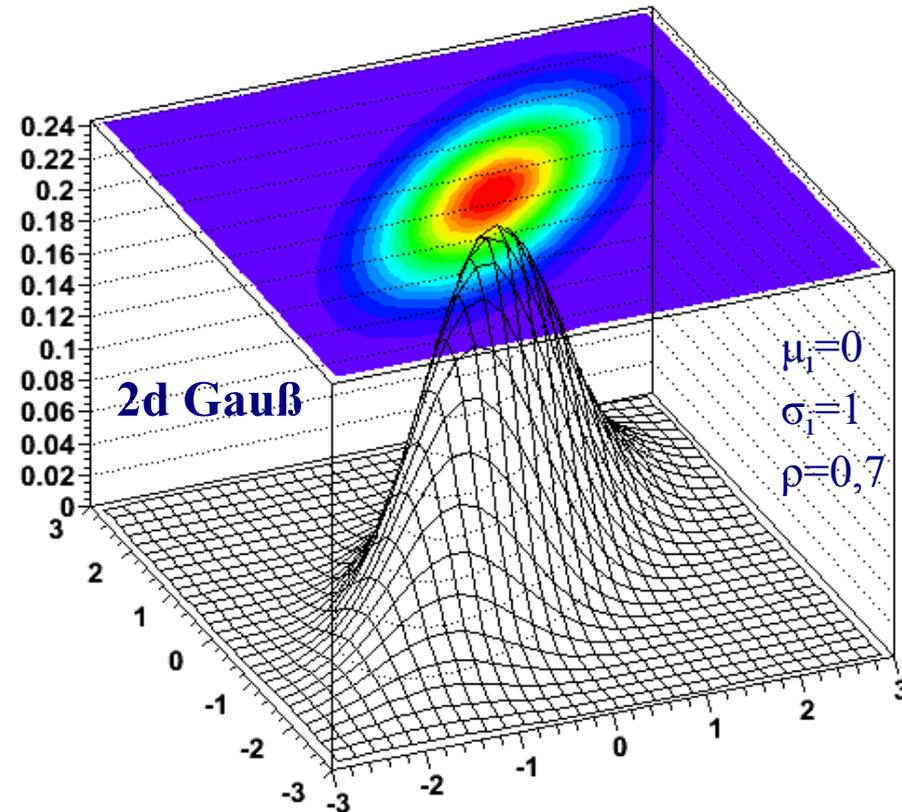
$$\vec{x} = D^{-1} \vec{u} + \mu$$

- Verwende standard-normalverteilte unkorrelierte u_1 und u_2
- Dann sind x_1 und x_2 standard-normalverteilt und korreliert mit Korrelationskoeffizient ρ :

$$x_1 = \mu_1 + \sigma_1 u_1$$

$$x_2 = \mu_2 + \sigma_2 \left(\rho u_1 + \sqrt{1 - \rho^2} u_2 \right)$$

- **Bemerke:** u_1 trägt zu x_1 und x_2 bei
→ Korrelation



Beispiel: [rangauss2d.C](#) oder [rangauss2d-pyroot.py](#)

Globel/Lohrmann Abschnitt 5.4