

# Vorlesung: Rechnernutzung in der Physik

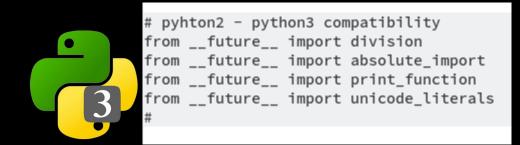
Python, Kovarianzmatrix, Bayes

#### **Günter Quast**

Fakultät für Physik Institut für ExperimentelleTeilchenphysik WS 2023/24







### **Enthaltene Themen:**

- Bedeutung des Bayes'schen Theorems
- Details zu Python
- Kovarianz und Kovrianzmatrix

# Bayes' Theorem

### **Bayes' Theorem**

Bedingte ("conditional") Wahrscheinlichkeiten:

aus
$$P(A \text{ und } B) = P(A) \cdot P(B|A) = P(B) \cdot P(A|B)$$
folgt

$$P(A|B) = \frac{P(B|A) P(A)}{P(B)}$$

#### **Bayes Wahrscheinlichkeit**

Frequentist-Wahrscheinlichkeit = "objektive" Definition für beliebig wiederholbare Ereignisse oder bei Vohandensein von Symmetrien anwendbar

auch "Klassische Statistik" genannt

Bayes-Wahrscheinlichkeit = "subjektive" Definition auch für einmalige Ereignisse anwendbar

Disput der Schulen zwischen Frequentisten und Bayesianern bis heute Physiker nehmen meist einen pragmatischen Standpunkt ein – Anwendung "hybrider" Verfahren

#### **Bedeutung von Bayes' Theorem**

Besonders wichtig durch den Zusammenhang Richtigkeit einer Theorie ← Beobachtung bestimmter Daten

$$P(Theorie|Daten) = \frac{P(Daten|Theorie)P(Theorie)}{P(Daten)}$$

$$\text{"Prior"}$$

$$P(Daten) = \frac{P(Daten|Theorie)P(Theorie)}{P(Daten)}$$

$$\text{"Evidenz"}$$

P(Theorie | Daten)

Wahrscheinlichkeit, dass die Theorie stimmt, wenn bestimmte Daten beobachtet wurden

P(Daten | Theorie)

Wahrscheinlichkeit, bestimmte Daten zu beobachten, wenn die Theorie stimmt

Interessant ist die erste Frage, häufig wird jedoch nur die zweite beantwortet!

### **Beispiel: Test auf Krankheit**

Wahrscheinlichkeit in allgemeiner Bevölkerung:

$$P(AIDS) = 0.001$$
$$P(\text{no AIDS}) = 0.999$$

a priori-Wissen

Ziemlich zuverlässiger AIDS-Test (Resultat + oder -):

$$P(+|AIDS) = 0.98$$
  
 $P(-|AIDS) = 0.02$   
 $P(+|no AIDS) = 0.03$ 

P(-|no AIDS) = 0.97

Messung, Likelihoods

Wie besorgt sollte man sein, wenn man ein positives Testresultat hat? d.h. wie groß ist (die posteriori-Wahrscheinlichkeit) P(AIDS|+)?

### **Test auf Krankheit (2)**

$$P(AIDS|+) = \frac{P(+|AIDS) P(AIDS)}{P(+|AIDS) P(AIDS) + P(+|no AIDS) P(no AIDS)}$$

$$= \frac{0.98 \times 0.001}{0.98 \times 0.001 + 0.03 \times 0.999}$$

$$= 0.032$$

Die Posterior-Wahrscheinlichkeit P(AIDS|+) beträgt nur 3,2%!

Warum? Wegen der kleinen Prior-Wahrscheinlichkeit von 0.01% und der nicht vernachlässigbaren Missidentifikationswahrscheinlichkeit!

Vorsicht: Prior nicht richtig, wenn man zu einer Risikogruppe gehört!

# Python

#### **PYTHON & friends**

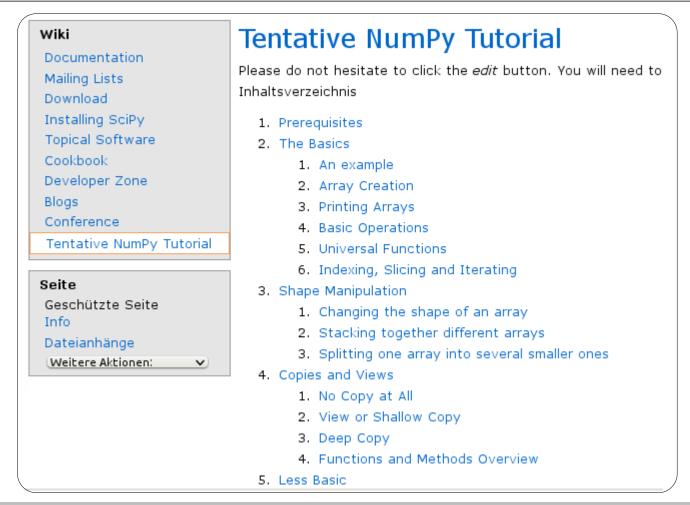
(= numpy, scipy, matplotlib)

#### Literatur:

```
Python Einführung: www.python-kurs.eu
```

```
offizielles python Tutorial:
  http://docs.python.org/3/tutorial/
numpy tutorial:
  http://wiki.scipy.org/Tentative NumPy Tutorial
numpy reference manual
  http://docs.scipy.org/doc/numpy/reference/index.html
matplotlib tutorial:
  http://matplotlib.org/users/pyplot_tutorial.html
<u>advanced</u> – for future python programmers:
  http://www.diveintopython.net/
ipython shell, an advanced interactive shell
  http://ipython.org/ipython-doc/stable/interactive/tutorial.html
```

## NumPy für Vektoren und Matrizen



NumPy's main object is the homogeneous multidimensional array. It is a table of elements (usually numbers), all of the same type, indexed by a tuple of positive integers. In Numpy dimensions are called axes. The number of axes is rank.

#### zentrale Datenstruktur: numpy array

numpy.array(

object, "array-like"

dtype=None, optional, Datentyp aller array-Elemente

copy=True, wenn False, wird eine Kopie von "object" nur wenn unbedingt notwendig

erzeugt

order=None, Anordnung der Elemente; 'A': Vorgabe, wie "object" (auße bei Kopie,

dann wie 'C'), 'C': wie in C (letzter Index läuft am schnellsten),

'F': wie in FORTRAN (1. Index läuft am schnellsten )

wichtig zur Code-Optimiereung!

subok=False, Vorgabe Basis-Klasse ist array, ansonsten kann eine von der

Basis-Klasse von "object" geerbt werden (z.B. von np.mat)

ndmin=0 minimale Dimension des arrays (ggf. Voranstellen von Einsen)

 $\P$ 

einfachste und häufigste Variante: a=np.array([<list>])

### Beispiele zu numpy

#### Berechnung des gewichteten Mittelwerts

$$\bar{x} = \frac{\sum w_i \, x_i}{\sum w_i} \, \text{mit} \, w_i = 1/\sigma_i^2$$

$$\sigma_{\bar{x}} = 1 / \sqrt{\sum w_i}$$

import numpy as np

w = 1/sx\*\*2
sumw = np.sum(w)
mean = np.sum(w\*x)/sumw
smean = np.sqrt(1./sumw)

#### **Diskrete Fourier-Transformation**

$$s_k = \frac{1}{n} \sum_{i} a_i \sin\left(\frac{2\pi}{f_k} t_i\right)$$

$$c_k = \frac{1}{n} \sum_{i} a_i \cos\left(\frac{2\pi}{f_k} t_i\right)$$

import numpy as np
# input vectors a, t
n = len(t)
dt = (t[-1]-t[0])/(n-1.) # time step
freq = np.linspace(0., 0.5/dt, n/2)

omegat=np.outer(2.\*np.pi\*freq, t)
s = np.matmul( np.sin(omegat), a) / n
c = np.matmul( np.cos(omegat), a ) / n

#### **Zufall aus dem Computer**

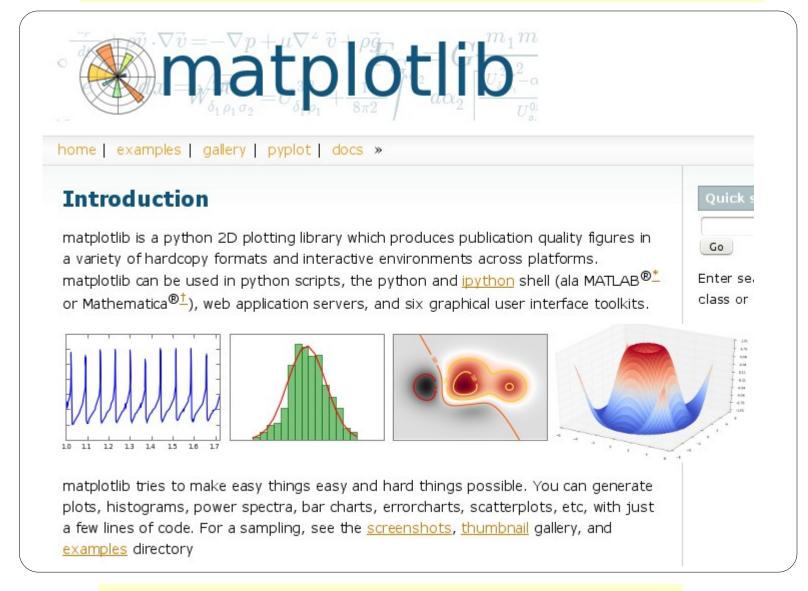
numpy erlaubt es auch, Arrays (also Vektoren und Matrizen) mit Zufallszahlen zu füllen:

```
>>> np.random.rand()
0.466210425430829
>>> np.random.rand()
0.3937425857019299
>>> np.random.rand()
0.8586162430715967
>>> np.random.rand()
0.31812462303570166
>>> np.random.rand(3)
array([ 0.43266661,  0.76177195,  0.60922989])
```

```
>>> np.random.randn()
0.5224185337307578
>>> np.random.randn()
1.8467581564176467
>>> np.random.randn(2)
array([-0.47682414, -0.59424037])
```

### matplotlib für's Auge

siehe http://www.matplotlib.org



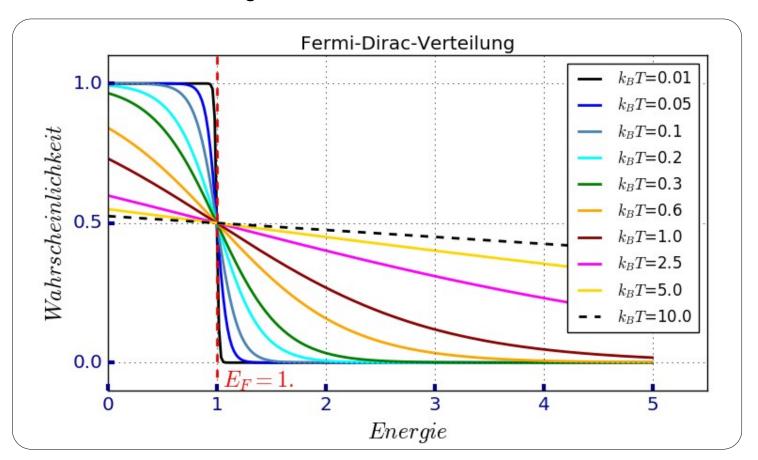
matplotlib user guide: "making plots should be easy!"

### Einfaches Beispiel numpy & matplotlib

```
>>> import numpy as np
>>> import matplotlib.pyplot as plt
>>>
>>> x=np.linspace(-20,20,200)
>>> y=np.sin(x)/x
>>>
                          1.0
>>> plt.plot(x,y)
>>> plt.show()
                          0.8
                          0.6
                          0.4
                          0.2
                          0.0
                         -0.2
                         -0.<u>4</u>20
                                 -15
                                       -10
                                              -5
                                                          5
                                                                10
                                                                      15
                                                                            20
```

### schöne Grafiken mit matplotlib

Mit sehr wenig Aufwand kann man auch Beschriftungen und weitere Grafikelemente hinzufügen:



Grafische Ausgabe des Scripts FunctionPlotter.py

### matplotlib Grundlagen

#### matplotlib einfügen

import matplotlib.pyplot as plt

1 0 1.0 1.5 2.0 2.5 3.0 3.5 4.0 4.5 5.0

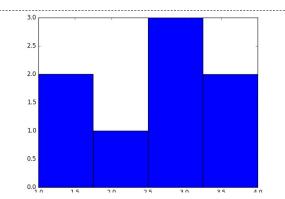
#### Grafik anzeigen

Balkendiagramm

plt.show()

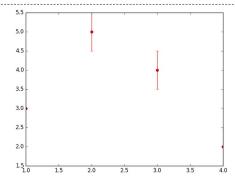
#### Häufigkeitsverteilung

a = [1, 1, 2, 3, 3, 3, 4, 4] plt.hist(a, 4)



Daten mit Fehlerbalken

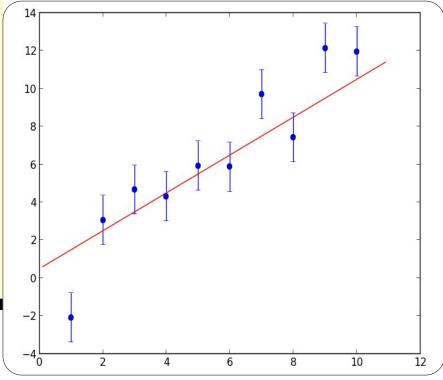
x = [1., 2., 3., 4.] y = [3., 5., 4., 2.] e = 0.5 plt.errorbar(x, y, yerr=e, fmt='ro')



#### **Falsche Daten**

```
# Messdaten = Model + Messfehler
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
def model(x, a=1., b=0.5):
    return a*x+b
# generate fake data according to model
npoints, err = 10, 1.3
xmin, xmax=1., 10.
xm=np.linspace(xmin,xmax,npoints)
dy=err*np.random.normal(size=npoints)
ym = model(xm) + dy
# plot model
dx = (xmax - xmin) / 10.
x=np.linspace(xmin-dx,xmax+dx,200)
plt.plot(x,model(x),'r-')
#plot fakde data
plt.errorbar(xm,ym,yerr=err,fmt='bo')
plt.show() # display on screen
```

- numpy.randombietet Erzeugung vonZufallszahlen
- matplotlib (.pyplot.errorbar) erlaubt Darstellung von Datenpunkten mit Fehlerbalken



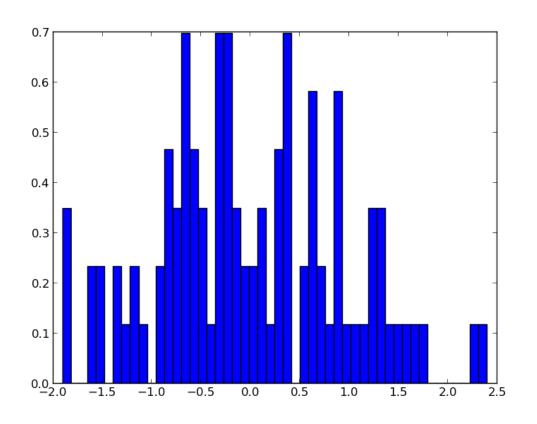
### Häufigkeiten sichtbar: Histogramm

```
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt

# generate random normal-distributed numbers
data=np.random.normal(size=100)
```

```
# plot data as historgram
plt.hist(data,50,normed=1)
plt.show() # put on screen
```

- numpy.random bietet Erzeugung von Zufallszahlen
- matplotlib
   (.pyplot.hist)
   bietet Erzeugung und
   Darstellung von
   Häufigkeitsverteilungen



#### noch schöneres Bild

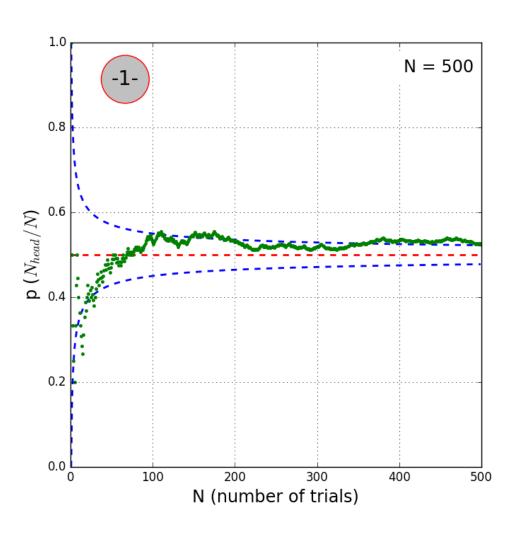
```
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
def fgauss(x,norm=1.,mu=0.,sigma=1.): # define Gauss-function
    return (norm*np.exp(-(x-mu)**2/2/sigma**2)/np.sqrt(2*np.pi)/sigma)
data=np.random.normal(size=100) # generate Gaussian random data
#plot function and data
                                                         Histogram of Gauss distribution
                                             0.6
x = np.arange(-4., 4., 0.1)
plt.plot(x, fgauss(x), 'r-')
                                                                        f(x) = N(\mu = 0.., \sigma = 1.)
plt.hist(data, 50, normed=1)
      make plot nicer:
plt.xlabel('x')
                  # add labels
plt.ylabel('probability density')
                                             0.4
                                            density
plt.title('Gauss distribution')
plt.figtext(0.6, 0.8 \
r'\$f(x) = N(\mu=0., \sigma=1.)\$'
                                            probability
, fontsize=14, color='r') # nice formula
plt.grid(True) # show a grid
plt.show()
                        # on screen
```

0.0

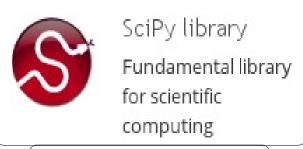
### Animierte Grafiken mit matplotlib

Mit Hilfe des Pakets matplotlib.animation können auch animierte Grafiken erstellt werden,

s. Script animated\_Coin.py



### höhere Mathematik: SciPy



http://www.scipy.org

### **SciPy**

enthält viele weitere nützliche Pakete für das wissenschaftliche Rechnen

spezielle
mathematische Funktionen
& Algorithmen aus den Bereichen

- Statistik
- numerische Integration
- numerische Optimierung
- Interpolation
- Signalverarbeitung (incl. FFT)
- lineare Algebra

\_\_\_

### **Einschub: python-Programmierung**

Spätestens wenn Sie auf dem Niveau von scipy angekommen sind, sind Ihre Programme auch für andere interessant. Sie sollten sich damit beschäftigen, wie Sie Ihren Code so schreiben und dokumentieren, so dass er für andere (und für Sie selbst) verständlich, nachvollziehbar und vertrauenswürdig ist.

Bei umfangreichen Projekten empfiehlt sich die Angabe einer Lizenz, die dafür sorgt, dass Ihr Code nur nach den dort festgelegten Regeln verwendet, weitergegeben oder verändert werden darf. Sie könnten Ihren Code z. B. als *freie Software* unter die *Gnu Public Licence* (*GPB*) stellen.

Dies verhindert auch, dass Sie von unbedarften Anwendern für die mit Ihrem Code erzielten Ergebnisse haftbar gemacht werden können.

#### Wichtige Stichpunkte:

- (aussagekräftige) Kommentarzeilen !!!
- Angabe von Autor (und evtl. Lizenzbestimmungen)
- Dokumentation, möglichst so, dass sie automatisiert aus dem Quellcode erstellt werden kann (s. google docstrings & sphinx)
- evtl. Bereitstellung einer kleinen Hilfe-Funktion
- einfaches Anwendungsbeispiel, kann auch als automatisierter Test (z.B. nach Veränderungen, Erweiterungen) genutzt werden (s. auch "unittests")
- Unterstützung des imports von Funktionen in andere Programme

## Special Funcions: scipy.special

```
Dokumentation, kann in dieser Form z.B. mit Hilfe von
"""scipy_example.py
                                                           sphinx in ein (html-)Dokument eingebunden werden
Compute the maximum of a Bessel function and plot it.
Source: https://www.scipy.org/getting-started.html
                                                               (schönes und professionelles)
                                                                     Beispielscript
import argparse
                                                                 von http://www.scipv.org
import numpy as np, matplotlib.pyplot as plt
from scipy import special, optimize
def main():
    # Parse command-line arguments Interface mit Hilfe für die Kommando-Zeilen
    parser = argparse.ArgumentParser(usage=__doc__)
    parser.add argument("--order", type=int, default=3,
      help="order of Bessel function")
    parser.add_argument("--output", default="plot.png",
                                                                       Suche des Maximums
      help="output image file")
                                                                        einer Bessel-Funktion
    args = parser.parse args()
                                                                        und grafische Darstellung
    # Compute maximum
    f = lambda x: -special.jv(args.order, x)
                                                                    0.4
    sol = optimize.minimize(f, 1.0)
                                                                    0.3
    # Plot
    x = np.linspace(0, 10, 100)
                                                                    0.2
    plt.plot(x, special.jv(args.order, x),
                                                                    0.1
     '-', sol.x, -sol.fun, 'o')
    # Produce output
    plt.savefig(args.output, dpi=96)
if name == " main ":
                               Code ab hier wird bei import nicht
    main()
                               ausgeführt (nützlich für Test oder
                               Anwendungsbeispiel)
```

### Differentialgleichungen lösen mit scipy

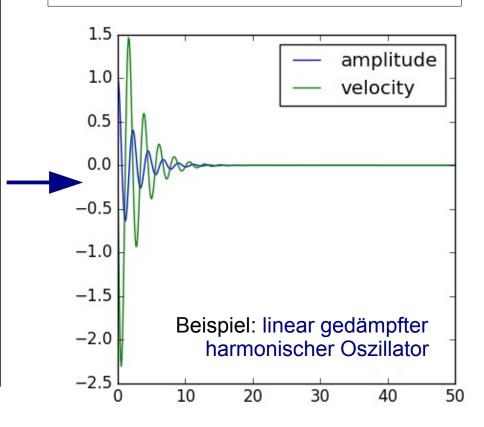
```
import numpy as np, matplotlib.pyplot as plt
from scipy.integrate import odeint
                         Auszug aus Script
mass = 0.5
                          odeint_scillators.py
kspring = 4
cdamp = 0.4
nu coef = cdamp / mass
om coef = kspring / mass
def deriv lindamp(yvec, time, nuc, omc):
   calculate derivatives: x'=v, v'=x'' ""
  return (yvec[1], -nuc * yvec[1] - omc * yvec[0])
# parameters for numerical solution
tmax=50. # time span
dt=0.1 # time step
time vec = np.linspace(0, tmax, int(tmax/dt))
# initial conditions
a0=1.
v0=0.
# get solution vector from odeint
arr lindamp = odeint(deriv lindamp, (a0,v0),
  time vec, args=(nu coef, om coef))
fig=plt.figure(figsize=(10., 10.))
ax=fig.add subplot(2,2,1)
ax.text(0.5, 0.05, 'linear damping', transform=ax.transAxes)
ax.plot(time vec, arr lindamp[:, 0], label='amplitude')
ax.plot(time_vec, arr_lindamp[:, 1], label="velocity")
ax.legend()
plt.show()
```

#### Paket scipy.odeint

löst Systeme von Differentialgleichungen erster Ordnung numerisch.

Differentialgleichungen höherer Ordnung werden auf ein System von Gleichungen

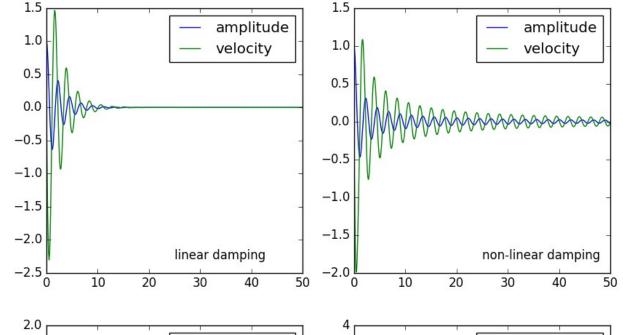
1. Ordnung transfc $\dot{x} =: v \rightarrow \ddot{x} = \dot{v}$ 



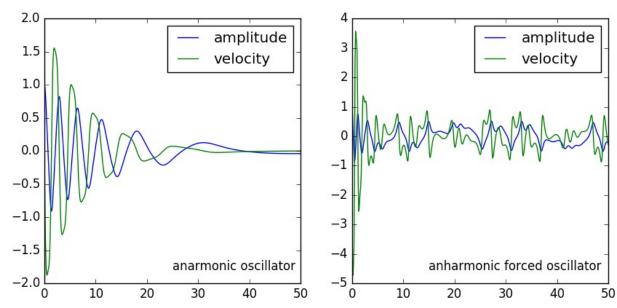
### Differentialgleichungen lösen mit scipy (2)

Paket scipy.odeint

Script
 odeint\_oscillators.py



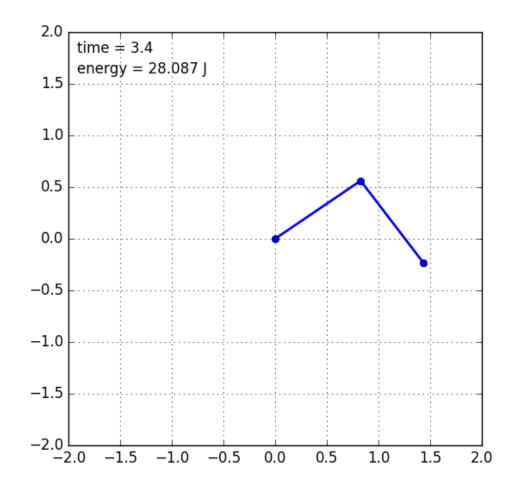
Wenn man die Differential-Gleichung ändert, löst der gleiche Code die Bewegungsgleichungen für alle möglichen Arten von (nicht-linearen) Oszillatoren.



### scipy.odeint in Beispiel mit Animation

mit recht wenig Aufwand funktioniert auch das Lösen von Differentialgleichungssystemen in Echtzeit, z. B. das aus Theorie B bekannte (chaotische) Doppelpendel. Mit dem Paket matplotlib.animation lässt sich das auch als animierte Grafik darstellen:

s. Script double\_pendulum.py



#### **Beispiel-Code**

Alle Beispiele dieser Vorlesung finden Sie im Ordner V02Beispiele Eine Sammlung von Beispielen speziell für die Anwendung in den Praktika enthält das Paket PhyPraKit

http://etp.kit.edu/~quast/PhyPraKit/

#### python-Modul PhyPraKit.py

1. Einlesen von Daten aus Text-Dateien

read\_data() n Spalten mit Meta-Daten (Datum, Autor, ...) read\_csv() Daten als "Comma Separated Values"

read\_txt() allg. Daten im Text-Format

2. Methoden zur Prozessierung von Roh-Daten Glätten, Suche nach Extrema und Flanken, Fouriertransformation. Autokorrelation

- 3. Berechnung des gewichteten Mittelwerts
- 4. Histogramm-Tools

barstat() statistische Information aus Balkendiagramm histstat() statistiche information aus 1d-Histogramm hist2dstat() statistische Information aus 2d-histogram profile2d() "profile plot" für 2d-Daten chi2p\_indep2d() chi2-Test auf Unabhängigkeit zweier Datensätze

- 5. lineare Regression (y = a · x + b), Funktionsanpassung linRegression() mit der analytischen Formel (nur y-Fehler) kFit() numerisch mit kafe, x-, y- und korrelierte Fehler
- 6. Erzeugung von simulierten Datensätzen

Paket phyFit: Anpassungen von Modellen an Messdaten mit **iminuit** 

```
s. insb. Beispiel-Scripts
  test_readtxt.py

  test_Fourier
  test_AutoCorrelation.py

  test_Histogram.py

  test_simplek2Fit.py
  test_k2Fit.py
  test_xyFit.py
  test_xyFit.py
  test_mlFit.py
  test_hFit.py

  test generateData.py
```

## Es gibt noch viel zu entdecken!

Einfach ausprobieren ...

Beste Methode:

Beispiele

- analysieren,
  - für eigene Zwecke anpassen,
    - weiterentwickeln.

## Die Kovarianzmatrix

#### Kovarianz - der Zusammenhang zwischen Variablen

#### Kovarianz zweier Zufallsvariablen ist Erwartungswert von

(Abweichung vom Erwartungswert in Variable x) \*
(Abweichung vom Erwartungswert in Variable y)

$$cov(x,y) = E[(x - \mu_x)(y - \mu_y)] = \dots = E[xy] - \mu_x \mu_y$$

Analog auch bei mehr als zwei Variablen:

cov(xi, xj) sind die Elemente der Kovarianzmatrix V

Diagonalwerte sind die Varianzen!

**Anm.:** für mehrere Variable  $x_i = (\vec{x})_i$  kann man die Kovarianzmatrix auch sehr kompakt in Matrix-Schreibweise darstellen:

$$\mathbf{V} = E\left[ (\vec{x} - \vec{\mu})(\vec{x} - \vec{\mu})^T \right] = E\left[ \vec{x}\vec{x}^T \right] - \vec{\mu}\vec{\mu}^T$$

das ist formal identisch zur Definition der Varianz: statt Produkt zweier Zahlen das "dyadische Produkt" von Vektoren

### gemeinsame Unsicherheiten & Kovarianz

Erinnerung: m = w + z

Messwert = wahrer Wert + Zufallskomponente

Wir betrachten nun mehrere (n) Messwerte mi: jede Messung hat

- eine individuelle, zufällige Unsicherheit **z**i (E[zi]= 0)
- sowie eine gemeinsame Unsicherheit **z**g (E[zg]= 0)

$$\rightarrow (m_i = w + z_i + z_g)$$

ein gemeinsamer wahrer Wert und *n*+1 Zufallszahlen (eine allen Messungen gemeinsame sowie n individuelle)

Beispiel zwei Messungen: 
$$\cot_{1,2} = E\left[(m_1 - \mu_1)(m_2 - \mu_2)\right]$$

$$= E\left[(w + z_1 + z_g - \mu)(w + z_2 + z_g - \mu)\right]$$

$$= E\left[(\mu + z_1 + z_g - \mu)(\mu + z_2 + z_g - \mu)\right]$$

$$= E\left[z_1 + z_g\right](z_2 + z_g)$$

$$= E\left[z_1 z_2 + z_1 z_g + z_g z_2 + z_g z_g\right]$$

$$= E\left[z_1 z_2\right] + E\left[z_1 z_g\right] + E\left[z_g z_g\right]$$

$$= 0 + 0 + 0 + E\left[z_g z_g\right]$$

$$= V(z_g) = \sigma_g^2$$

Das Kovarianzmatrixelement ist das Quadrat der gemeinsamen Unsicherheit der Messungen!

### Kovarianzmatrix von korrelierten Messungen

Mehrere (n) Messwerte mi, jede Messung hat

- eine individuelle, zufällige Unsicherheit zi
- sowie eine gemeinsame Unsicherheit zg

$$\rightarrow (m_i = w + z_i + z_g)$$

ein gemeinsamer wahrer Wert und *n*+1 Zufallszahlen (eine allen Messungen gemeinsame sowie n individuelle)

Für n Messwerte  $m_i$  erhält man die Kovarianz-Matrix, indem man die Varianz der gemeinsamen Unscherheit  $z_g$ ,  $(\sigma_g)^2$ , in die Nebendiagonale setzt. Die Diagonalelemente sind die Varianzen der Gesamtunsicherheiten,  $(\sigma_i)^2 + (\sigma_g)^2$ .

Die vollständige Kovarianzmatrix sieht so aus:

$$V = \begin{pmatrix} \sigma_1^2 + \sigma_g^2 & \sigma_g^2 & \dots & \sigma_g^2 \\ \sigma_g^2 & \sigma_2^2 + \sigma_g^2 & \dots & \sigma_g^2 \\ & & \dots & \\ \sigma_g^2 & \sigma_g^2 & \dots & \sigma_n^2 + \sigma_g^2 \end{pmatrix}$$

#### praktisches Beispiel: Konstruktion einer Kovarianzmatrix

6 Studenten in 3 Gruppen messen jeweils mit eigenem Messgerät vom gleichen Typ pro Gruppe, es gibt eine von allen angewandte "Theorie-Korrektur" mit Unsicherheit.

#### Fehlerbeiträge:

- Systematischer Fehler eines Messgeräts:  $\Delta_s$  (korreliert innerhalb einer Gruppe, d.h. Studierende

1-2, 3-4 und 5-6, unabhängig zwischen den Gruppen)

- Theoriefehler:  $\Delta_t$  (korreliert für allen Messungen)

- einzelne unabhängige Messunsicherheiten: Δf1, ..., Δf6

Jede Messung hat die Gesamtunsicherheit

$$\Delta g_i = \sqrt{\Delta_{f_i}^2 + \Delta_s^2 + \Delta_t^2}$$

#### **Konstruktionsprinzip:**

- Quadrate der Gesamtunsicherheiten stehen in der Diagonalen
- gemeinsame Unsicherheiten werden zu den betreffenden Nebendiagonalelementen quadratisch addiert

Anm: unabhängige Unsicherheiten tauchen nur in der Diagonalen auf

$$V =$$

### **Implementierung in PhyPraKit**

PhyPraKit.BuildCovarianceMatrix(sig, sigc=[])

Construct a covariance matrix from independent and correlated error components

#### Args:

- · sig: iterable of independent errors
- · sigc: list of iterables of correlated uncertainties

Returns: covariance Matrix as numpy-array

```
def BuildCovarianceMatrix(sig, sigc=∏):
 """Construct a covariance matrix
 from independent and correlated error components
 Args:
 * sig: iterable of independent errors
 * sigc: list of iterables of correlated uncertainties
 Returns:
 covariance Matrix as numpy-array
 # construct a numpy array with diagonal elements
 su = np.array(sig)
 V = np.diagflat(su*su)
 # if given, add off-diagonal components
 if sigc != []:
  for s in sigc:
   sc = np.array(s)
   V += np.outer(sc, sc)
 return V
```

#### Nachtrag: Fehlerfortpflanzung mit Kovarianzen

Für nicht verschwindende Kovarianzen  $V_{ij} = cov(x_i, x_j)$  lautet das **linearisierte Fehlerfortpflanzungsgesetz** 

$$y(x_1, \dots, x_n) \Rightarrow \sigma_y^2 \simeq \sum_{i=1}^n \sum_{j=1}^n \left(\frac{\partial y}{\partial x_i}\right) V_{i,j} \left(\frac{\partial y}{\partial x_j}\right)$$

#### Spezialfälle:

$$y = x_1 \pm x_2$$

$$\Rightarrow \sigma_y^2 = \sigma_1^2 + \sigma_2^2 \pm 2\operatorname{cov}(x, y)$$

$$y = x_1 \cdot x_2 \text{ oder } y = \frac{x_1}{x_2}$$

$$\Rightarrow \left(\frac{\sigma_y}{y}\right)^2 \simeq \left(\frac{\sigma_1}{x_1}\right)^2 + \left(\frac{\sigma_2}{x_2}\right)^2 \pm 2\frac{\text{cov}(x,y)}{xy}$$

### Beispiel: Fehlerfortpflanzung mit Korrelation

#### Beispiel:

$$y = x_1 - x_2$$

$$\mu_1 = \mu_2 = 10, \ \sigma_1 = \sigma_2 = 1, \ \rho = 0$$

$$\Rightarrow \sigma_y = 1, 4$$

aber mit Korrelationskoeffizient p=1

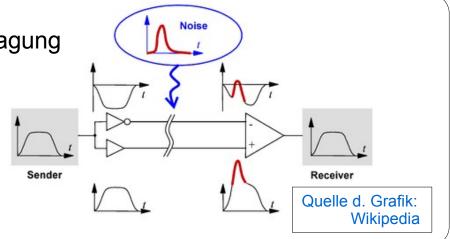
$$\Rightarrow \sigma_y = 0$$

#### Technische Anwendung:

"Differentielle" Signalübertragung

#### **Der Trick:**

- gemeinsame Übertragung von Signal und invertiertem Signal
- zufällige Störungen betreffen beide gleichermaßen
- Differenzbildung beim Empfänger eliminiert Störungen



Also: Bitte nie die Kovarianzen vergessen!

### Jupyter-Tutorial "Fehlerrechnung"

Mehr zur Konstruktion der Kovrianzmatrix finden Sie im jupyter-Tutorial

Fehlerrechnung.ipynb

http://etp.kit.edu/~quast/jupyter/jupyterTutorial.html

→ Fehlerrechnung.ipynb , Kap. 2.4